

Informatica per le biotecnologie (parte 1)

Scritto del 6/2/2019

1) Si scriva una funzione con intestazione

```
int search (int a[], int dim)
```

che restituisce l'indice, nell'intervallo $[1, \text{dim})$, dell'ultimo elemento uguale alla somma di tutti gli elementi che lo precedono. Restituisce 0 se tale elemento non esiste.

2) Si scriva una funzione con intestazione

```
int check (int a[], int b[], int dim)
```

che prende due array, a e b , entrambi di dimensione dim e restituisce 1 se gli elementi di a sono uguali elementi di b in ordine inverso. Restituisce 0 altrimenti.

Per esempio se l'array a contiene gli elementi 3, 5, 4, 12, 7, 6 e l'array b contiene gli elementi 6, 7, 12, 4, 5, 3, il risultato della funzione deve essere 1.

3) Si scriva una procedura con intestazione

```
void invert (int a[], int dim)
```

che inverte l'ordine degli elementi di a . Per esempio l'array che contiene gli elementi 3, 5, 4, 12, 7, 6, dovrebbe essere modificato in 6, 7, 12, 4, 5, 3.