

Informatica per le biotecnologie (parte 1)
Scritto del 10/1/2019

1) Si scriva una funzione con intestazione

```
int search (int a[], int dim)
```

che restituisce l'indice, nell'intervallo $[1, \text{dim}-1]$, del primo elemento maggiore o uguale a tutti quelli che lo precedono e maggiore di tutti quelli che lo seguono. Restituisce dim se tale elemento non esiste.

2) Si scriva una procedura con intestazione

```
int check (int a[], int dima, int b[], int dimb)
```

che restituisce 1 se tutti gli elementi di a sono maggiori di tutti gli elementi di b . Restituisce 0 altrimenti.

3) Si scriva una procedura con intestazione

```
void zero (int a[], int dima)
```

che azzerava tutti gli elementi di a , con indici nell'intervallo $[1, \text{dim} - 1]$, che sono maggiori dell'elemento che li precede. Per esempio l'array che contiene gli elementi 3, 5, 4, 12, 7, 6, 34, 23, 3 dovrebbe essere modificato in 3, 0, 4, 0, 7, 6, 0, 23, 3.